百千万人才工程 国家级人选候选人情况登记表

姓 名:	刘剑锋
工作单位:	中国农业大学
专业及组别:	畜牧学
推荐部门:	北京市

中华人民共和国人力资源和社会保障部印制

人选基本情况

姓名	刘金	训锋	性别	男	出生日期	1972-06-07		-07	
民族	汉族	学历	研究生	学位	博士	职称	孝	效授	
办公	电话	010	0-627319	921	家庭电话	010-62731921		1921	
工作	单位	单位 中国农业大学 手机 137			中国农业大学 手机 1371			18077060	
通讯	地址	北京	市海淀区	圆明园	西路2号	邮政组	扁码	1	.00193
电子	信箱			1	iujf@cau	. edu. cı	n		
证件类别 身份证			证件号码	证件号码 110108197206079310					
从事专业						畜牧	学		

教育经历(从大专或大学填起,包括国外教育经历)

起止年月	学 校	专业
2002年9月- 2005年6月	中国农业大学,博士学位,研究生学历	动物遗传育种与 繁殖
1993年9月- 1996年6月	北京农业大学,硕士学位,研究生学历	动物遗传育种与 繁殖
1989年9年- 1993年6月	北京农业大学,学士学位,本科生学历	动物遗传育种与 繁殖

主要工作经历(含国外研究工作经历)									
起止年月	工作单位	职 称							
2018年11月-至 今	中国农业大学动物科技学院	副院长	教授						
2011年12月- 2018年10月	中国农业大学动物科技学院	教学科研 人员	教授						
2008年11月- 2011年11月	中国农业大学动物科技学院	教学科研 人员	副教授						
2005年8月- 2008年7月	密苏里大学堪萨斯校区医学院	博士后	其他职称						
2000年1月-2005 年7月	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	科研人员	副研究员						
1996年6月- 1999年12月	中国农业科学院科技管理局	科研管理 人员	助理研究 员						
	国内外学术团体任职情况								
起止年月	组织或期刊名称		职务						
2017年10月-至今	中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分	·会	理事						
2017年9月-至今	国家畜禽资源委员会猪专业委员会		成员						
2015年10月-至今	国家畜禽遗传改良专家组		成员						
2015年6月-至今	《PloS ONE》		编委						
2015年12月-至今		编委							
2014年12月-至今	年12月-至今 中国农业大学-加拿大Alberta大学猪基因组学联合研究中心								

	获奖情况											
获奖时间	授予机构	类励名称	获奖项目名称	等次	排名							
2016	中华人民共和国国务院	国家科技进步奖	中国荷斯坦牛基 因组选择分子育 种技术体系的建 立与应用	二等	8							
2017	安徽省人民政府	安徽省科学技术奖	优质特色皖南黑 猪新品系选育及 配套组装技术示 范与推广	三等	3							
2015	北京市人民政府	北京市科学技术奖	中国荷斯坦牛 基因组选择技 术平台的建立 与应用	一等	8							
2011	安徽省人民政府	安徽省科学技术奖	优质高繁殖力 瘦肉型圩猪新 品系培育及配 套组装	三等	3							

基金	资	助	情	况

		全亚贝切旧 机	1	
年度	授予机构	基金名称	基金项目名称	金额
2020	国家自然基金委	国家自然基金面上 项目	基于多组学整合和特征 提取策略建立基因组选 择新方法	57万 元
2019	北京市自然基金委	北京市自然科学基金面上项目	利用复合参考群体建立 组学时代畜禽基因组选 择新方法	20万 元
2017	国家自然基金委	国际(地区)合作 与交流项目	中非地方猪种基因组进 化分析及非洲猪瘟抗性 基因挖掘	200万 元
2014	国家自然基金委	国家自然科学基金 国际(地区)合作 与交流项目	ILRI-NSFC科研合作会 议	3万元
2013	国家自然基金委	国家自然基金面上项目	基于测定日模型建立中 国荷斯坦奶牛基因组选 择新方法	85万 元
2010	国家自然基金委	国家自然基金面上 项目	应用基因组集结信息建 立复杂性状基因精确定 位的新方法	31万 元
2010	北京市自然基金委	北京市自然基金	远交群体数量性状QTL 的贝叶斯压缩定位	11万 元

代表性论文

论文名称	发表刊物 名称	期、止码	作者排名	所有作者姓名	发表年度	是否被 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI 收录	期影因	他引次 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI
Bivariate association analyses for the mixture of continuous and binary traits with the use of extended generalized estimating equations	Genetic Epidemiology	33, 217– 27	1	刘剑锋, 裴玉芳, Chris J. apasian, 邓红文	2009	是	2. 584	53
Bayesian mapping of quantitative trait loci for multiple complex traits with the use of variance components	American Journal of Human Genetics	81, 304- 20	1	刘剑锋, 刘勇军, 刘晓刚, 邓红文	2007	是	9. 968	27
Incorporating single-locus tests into haplotype cladistic analysis in case-control studies	Plos Genetics	3, e46	1	刘剑锋, Chris J. apasian, 邓红文	2007	是	6. 283	17
Efficient Multivariate Analysis Algorithms for Longitudinal Genome-wide Association Studies	Bioinformati cs	23, 4879– 4885	10	宁丹磊龙源慧胜翔忠超、、、徐刘锋、、新敏利、、军国巨刘康张周士剑	2019	是	8. 860	0

	心	表	ル上	ΔL	4
1	ľ	双	泩	115	Х

代表性论文								
论文名称	发表刊物 名称	期、止码	作者排名	所有作者姓名	发表年度	是否被 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI 收录	期形响	他引次 数 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI
Mitochondrial DNA enrichment reduced NUMT contamination in porcine NGS analyses	Brief Bioinformati cs	1477- 4054	5	王海超, 刘赵, 向宁刘剑兴	2019	是	8. 265	0
A novel mutation in the promoter region of RPL8 regulates milk fat traits in dairy cattle by binding transcription factor Pax6	Biochim Biophys Acta Mol Cell Biol Lipids	12, 15852 8	8	郑姜超蒸磊, 张刘锋, 宁蒸周, 张刘锋	2019	是	5. 231	0
A rapid epistatic mixed-model association analysis by linear retransformations of genomic estimated values	Bioinformati cs	34, 1817– 1825	7	宁丹 級 東 Raphael Mrode, 周士 剑锋	2018	是	8. 860	1
Evidence of evolutionary history and selective sweep in the genome of meishan pig reveals its genetic and phenotypic characterization	GigaScience	5, giy05 8	11	赵俞文 恒敏瑞 人 原郑王,康郑王, George E. Liu, Catherin e W. Ernst	2018	是	7. 441	3

,	少	表	ル	Δ¢	+
1	$\sqrt{}$	衣	泩	7K-	X

代表性论文								
论文名称	发表刊物 名称	期、止码	作者排名	所有作者姓名	发表年度	是否被 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI 收录	期刊响子	他引次 数 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI
Introgression of Chinese haplotypes contributed to the improvement of Danish Duroc pigs	Evolutionary Applications	12, 292– 300	5	陈敏慧, 苏傅宝瓷, 到 Lund Mogens S., Guldbran dtsen Bernt	2018	是	5. 626	1
PIBLUP: High- Performance Software for Large -Scale Genetic Evaluation of Animals and Plants	Frontiers in Genetics	9, 226	6	康宁磊 利,锋 慧超,张杨剑	2018	是	3. 517	0
Integrated analysis of lncRNAs and mRNA expression profiles reveals the potential role of lncRNAs in different bovine lactation stage	Journal of Dairy Science	12, 11061 - 11073	8	郑宁鹏文锡磊, 华瑞, 永太四十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十十	2018	是	3. 208	2
Short communication: Single-step genomic evaluation of milk production traits using multiple-trait random regression model in Chinese Holsteins	Journal of Dairy Science	12, 11143 - 11149	6	康慧超, , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	2018	是	3. 208	3

代表性论文

论文名称	发表刊物 名称	期、止码	作者排名	所有作 者姓名	发表年度	是否被 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI 收录	期影因	他引次 数 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI
Factors affecting GEBV accuracy with single-step Bayesian models	Heredity	120, 100- 109	6	周磊, Raphael Mrode, 张胜利, 张勤,, 少 。 。	2018	是	3. 677	3
Eigen decomposition expediteslongitudi nal genome-wide association studies or milk production traits in Chinese Holstein	Genet Sel Evol	1, 12	7	宁超、王 丹、郑先 瑞,张胜 利, Raphael Mrode, 刘剑锋	2018	是	3. 338	3
Profiling Long Non -coding RNA of Multi-tissue Transcriptome enhances Porcine Non-coding Genome Annotation	Epigenomics	3, 301– 320.	11	赵郑冯海超恒 英高毅鹏先文飞和恒英高,等举瑞,,十季赵剑	2017	是	4. 855	4
Incorporating the single-step strategy into a random regression model to enhance genomic prediction of longitudinal traits	Heredity	119, 459– 467	5	康慧敏, 周磊, Raphael Mrode, 张勤,刘 剑锋	2016	是	3. 677	2

代表性论文

论文名称	发表刊物 名称	期、止码	作者排名	所有作 者姓名	发表年度	是否被 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI 收录	期影因	他引次 数 SCI、 EI、 SSCI、 CSSCI
MicroRNA Transcriptome of Poly I:C- Stimulated Peripheral Blood Mononuclear Cells Reveals Evidence for MicroRNAs in Regulating Host Response to RNA Viruses in Pigs	Internationa 1 Journal of Molecular Sciences	10, 1601	7	王王王郭王吴 英萍飞凤忠, 章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文章 文	2016	是	4. 331	10
Identification of selective sweeps reveals divergent selection between Chinese Holstein and Simmental cattle populations	Genetics Selection Evolution	1, 76	10	陈潘任傅李苏王姜勤 蒙飞艳銮雅生国,刘锋	2016	是	3. 338	14
Joint prediction of multiple quantitative traits using a Bayesian multivariate antedependence model	Heredity	115, 29–36	6	蒋士, 马俊志 刘雅全, 锋	2015	是	3. 677	21
Resequencing diverse Chinese indigenous breeds to enrich the map of genomic variations in swine	Genomics	5, 286- 294	11	康王樊赵 Amja 文爱勤慧海自鹏jad,,,,单锋 Amjad,,,,刘锋敏飞尧举d 及语斌国,锋 最正包王张剑	2015	是	3. 160	4

近5年主要科研情况

1. 承担主要科研任务情况

项目名称	立项编号	经费(万元)	起止年月	项目性 质及来 源	担任角色
中国猪地方品种基因组特征库建立	19190574	80	2019年10月 -2020年3月	农业财政 项目,农 业农村部	主持
奶牛产奶性能相关基因的克隆 和功能验证	2014ZX0800 953B	159. 17	2014年01月 -2016年12 月	国家科技重 大专项,农 业农村部	主持
中非地方猪种基因组进化分析及非洲猪瘟抗性基因挖掘	3166114301 3	200	2017年01月 -2021年12 月	国际(地区) 合作与交流项 目,国家自然 基金委	主持
北京黑猪高产优质性状提升及示范推广	Z191100004 019009	80	2019年01月 -2021年12 月	北京市科学技 术委员会项 目,北京市科 学技术委员会	主持
基于多组学整合和特征提取策略建立基因组选择新方法	31972563	57	2020年01月 -2023年12 月	国家自然科 学基金面上 项目,国家 自然基金委	主持

2. 获得授权专利情况

专利名称	授权号	类别	发明人或 设计人排 序	授权时间	授权国 别或组 织
一种与猪产仔数相关的 CNV标记及其应用	CN 104846080 B	发明专	1	2018年5 月	中国
一种估计基因组育种值的 方法及装置	ZL2017106 517532	发明专	1	2019年 12月	中国

近5年主要科研情况

3. 在重要国际学术会议报告情况

报告名称	会议名称	主办方	时间	地点	报告
Genome-wide SV map construction in Chinese local pig breeds	国家自然基金委- 国际家畜研究所 青年科学家论坛	国际家畜研 究所	2015 年	肯尼亚内罗 毕市	全体大会

4. 重要专著情况

专著名称	出版社	发行国家和地区	年份
生物统计学(第三版)	中国农业大学出版社	中国	2018

业绩简述(限300字)

业须间还(限300子)
刘剑锋系中国农大优秀引进人才,任国家畜禽资源委员、国家畜禽遗传改良专家组成员。在基因组互作效应评估和测定日模型基因组选择理论和方法研究领域取得系列原始创新成果,系统构建了我国地方猪多组学变异图谱,设计了具自主知识产权的基因组评估系统PI-BLUP以及猪中密度CAU55K基因育种芯片,成果发表于Bioinformatics等高影响力期刊。研究成果在全国10家国家生猪核心场推广应用,提升育种效率10%以上。以第一和通讯作者发表SCI论文48篇(近五年29篇),获授权专利1项、软件著作权11项。主持国家和省部级课题16项,获2010年度教育部新世纪人才、2018年山东省"西部隆起优秀人才"资助。研究成果获国家科技进步二等奖1项、省部级科技成果奖3项。

其他需要补充说明的情况

在校工作期中,聚焦国家畜禽种业发展重大需求,坚持科研工作和产业服务并重,自主创新与国际合作同步。近5年来在科研教学和产业社会服务取得进展如下:

- 1、基于育种理论原始创新成果(代表作1-5、7、14、16、19),自主研发我国首款能够分析普通复杂性状和测定日模型的高性能畜禽育种分析系统PI-BLUP(代表作-10、发明专利-2)。以第一发明人获得了11个软件著作权(见附件)。2017年农业部畜牧总站举行的育种软件大赛中计算速度稳居第一,解决了我国畜禽基因组遗传评估使用国外开源软件在商业化应用中的版权问题。
- 2、主持并承担我国首个猪地方遗传资源DNA特征库建设,通过对我国42个国家级保护品种遗传资源收集和基因组分析,提取了我国地方遗传资源关键DNA特征信息,利用机器深度学习算法构建了我国地方资源保护、动态检测、资源鉴定的分析系统。该成果在农业农村部种业管理司主办的2019年青岛首届种业大会首次发布。
- 2019年青岛首届种业大会首次发布。 3、自主设计我国首款中密度猪基因组选择育种芯片CAU 55K,在此基础上形成我国育种企业广泛采用的自主芯片中芯一号(江西农大牵头),将育种芯片成本降低50%。以遗传背景相似的10家生猪核心育种场为基础,成立"北京联盟"基因组联合育种组织,最先启动了我国基因组分子育种新历程。目前该育种策略已经成为农业农村部生猪遗传改良计划的重要内容和举措。
- 4、开展广泛国际合作,牵头组建"中国农大一加拿大阿尔博塔猪基因组联合研究中心",通过与加方育种团队合作,探索有效的国内及国际种猪联合育种之路,推动猪基因组选择的国际合作机制;以主持的国家自然基因项目(国际合作)为基础,与国际家畜研究所(肯尼亚中心)组建攻关组,探索非洲猪瘟抗性遗传机制,为我国当年非洲猪瘟防控提供科学依据。
- 5、作为专家组组长,牵头组织研究北京市生猪发展规划,探索非洲猪瘟防控形势下如何保证首都猪肉供给安全和种业安全,研究成果以北京市11个局委联合下发《北京市生猪产业优化提升发展和保障猪肉市场稳定供应工作方案》(京政农发〔2019〕135号),指导未来北京生猪产业发展。
- 6、教学中注重教学团队建设,成立了《生物信息与生物统计学》教学团队,建设生物统计MOOC课程,在当前新冠肺炎疫情防控形势下落实教育部"停课不停教"指示,发挥重要支撑作用。目前培养的研究生有1名已经获得美国北卡州立大学的助理教授头衔(Tenure Track),3名在国内高校任副教授、讲师职位。

本人保证以上所填内容属实。

本人工作单位意见

刘剑降同志拥护中国对党的领导,拥护社会主义属行中国共产党党员公务,联查,始终与党中央联持一致,忠诚党防教育事业,认真智觉的各项方针政联、广播提高自己的政治觉悟和直接新始终坚持从为本的有人理念,复尚敬迎,为人种表,至于李武。 教学方面,治学严谨,既老剑斩,私学中立主教学团队进设,同时,在科研工作中对路国教,需要和党科发展需求,深入开展和高超度方面上作, 要其国家高级神业发展高来, 坚持, 对时, 种种工作和多些种金服务,并重, 如今, 并通, 如年 3月 2日

推荐单位人力资源社会保障(人事、干部、人力资源)部门意见

盖 章

年 月 日